



LA BIOINFORMATIQUE ET LES SÉQUENCES

le 19 septembre 2017 15h30 - 17h30

ENS Rennes, Salle du conseil
[Plan d'accès](#)

Intervention de **Pierre Peterlongo**, chercheur Inria dans l'équipe GenScale,
dans le cadre des séminaires du département Informatique et télécommunications.



Dans cet exposé je présenterai une vue globale de la bioinformatique : quelle est son origine, son utilité, dans quels domaines elle est appliquée et quels sont les grands domaines de l'informatique qu'elle utilise.

Dans un second temps, je présenterai plus en détails quelques réalisations de l'équipe GenScale <<https://team.inria.fr/genscale/>>. Cette équipe est spécialisée dans la création de méthodes algorithmiques permettant l'analyse de très grosses masses de données, généralement issues des séquenceur de génomes.

Ainsi je présenterai plus précisément la problématique de l'assemblage et une structure de données permettant de stocker et d'indexer les "mots" qui sont utilisés pour effectuer cet assemblage. Je présenterai également une méthode qui a été utilisée dans le cadre du projet Tara Ocean pour comparer d'énormes masses de données permettant de suivre l'évolution du plancton océanique <<https://www.embl.de/tara-oceans/start/>>.

THÉMATIQUE(S)

Formation, Recherche - Valorisation

CONTACT

[David Cachera & Luc Bougé](#)

À LIRE AUSSI



[Open Science needs a Universal Software Archive: Enter Software Heritage](#)



[Apprentissage automatique et respect de la vie privée](#)



[Function approximation problems in signal processing and deep learning](#)

CONTACT

[Luc Bougé](#)

ARCHIVES

[Séminaires 2017-2018](#)
[Séminaires 2016-2017](#)
[Séminaires 2015-2016](#)
[Séminaires 2014-2015](#)
[Séminaires 2013-2014](#)
[Séminaires 2012-2013](#)
[Séminaires 2011-2012](#)
[Séminaires 2010-2011](#)
[Séminaires 2009-2010](#)
[Séminaires 2008-2009](#)
[Séminaires 2007-2008](#)
[Séminaires 2006-2007](#)
[Séminaires 2005-2006](#)
[Séminaires 2004-2005](#)
[Séminaires 2003-2004](#)
[Séminaires 2002-2003](#)